

Organisation et inscriptions

Gen2Bio 2009, c'est le rendez-vous annuel des chercheurs de l'Ouest et des entreprises biotech organisé par OUEST-genopole® : plus de 50 laboratoires de recherche en Bretagne et Pays de la Loire, 16 plates-formes technologiques, soit 2000 personnes dont 800 chercheurs. **Gen2Bio** permet d'établir un contact direct avec les plates-formes technologiques et de mesurer l'avancée des travaux de recherche en sciences du vivant en France.

Gen2Bio EXPO-Posters : Gen2Bio expose les recherches des doctorants en sciences du vivant de l'Ouest. Les posters présentent les travaux de thèse des doctorants dont le sujet est en rapport avec les thématiques de OUEST-genopole®.

Chercheurs et industriels, ingénieurs et doctorants, acteurs de la valorisation... vous êtes tous invités à participer à cette journée !

La participation au colloque Gen2Bio 2009 est **gratuite** mais **l'inscription est obligatoire**.

Inscriptions : en ligne sur www.gen2bio.org (une seule adresse pour toutes les inscriptions).

Renseignements :

Christelle HAYS Tél. 02 23 23 45 85 - christelle.hays@ouest-genopole.org
Eric MATHIEU Tél. 02 41 72 86 17 - eric.mathieu@ouest-genopole.org

Infos pratiques

Gen2Bio 2009 se tiendra au Palais des congrès **Atlantia** à LA BAULE (44) - 119 avenue du Maréchal de Lattre de Tassigny
Tél. 02 40 11 51 21

Gen2Bio 2009 est soutenu par :



Gen2Bio®

PROGRAMME

Gen2Bio 2009

*Les rencontres Biotech
organisées par OUEST-genopole®*

www.gen2bio.org

LA BAULE | Mardi 31 mars 2009
Palais des congrès Atlantia

*Du gène à l'écosystème,
Du laboratoire vers la société,
De l'ouest à l'Europe...*

PROGRAMME DES CONFÉRENCES

(Auditorium)

8h30 : Accueil des participants

Animation : Denis ROUX, journaliste

9h00..... Allocution d'ouverture : Région des Pays de la Loire et Bruno BARNOUIN, président de OUEST-genopole®

9h10..... « Rôle des transferts latéraux dans l'adaptation à la lumière chez les cyanobactéries marines »

Frédéric PARTENSKY (UMR 7144 CNRS-Université Paris 6, Station biologique de Roscoff)

9h50..... « Phylogénomique des gènes de la reproduction à évolution rapide »

Philippe MONGET (UMR 6175 Inra - CNRS - Université Tours - Haras nationaux)

10h30 Pause-café

11h00 ... « Régulation de la transcription par le récepteur des oestrogènes : une intégration dynamique de multiples paramètres »

Raphaël MÉTIVIER (UMR CNRS 6026, SPARTE, Université de Rennes 1)

11h40 ... « Génomique et bio-informatique appliquées aux pucerons : la puissance des cartes graphiques pour mieux les combattre »

Dominique LAVENIER (Irisa, Symbiose) et Denis TAGU (Inra Rennes, BIO3P)

12h20 à 13h30 : Buffet et visite de l'exposition commerciale

13h30 ... « Programmes européens Eureka, PCRDT, Eurostars, EuroTransBio : que choisir ? Quel programme pour les PME ? Au près de qui se renseigner ? »

Hélène MORIN (Bretagne Innovation)

14h10 ... « Le Centre d'immuno-monitorage Nantes Atlantique (Cimna) et la plate-forme Transcriptome de Nantes »

Rémi HOULGATTE (plate-forme Transcriptome de OUEST-genopole®) et Sébastien BRÈCHE (TcLand)

14h50 ... « Mission Bretagne Biotech 2015 : perspectives et plan d'actions »

Anne-Claude LEFEBVRE (CRITT Santé Bretagne) et Gilbert BLANCHARD (CBB Développement)

15h30 Pause-café

16h00 ... « Sociétés de biotechnologies : risques et assurances »

Frédéric DE KERMOYSAN et Frédéric NOUAILLE (Biomedic Insure)

16h40 ... « Blue Cluster, ou la naissance d'une filière économique innovante basée sur la valorisation de bioressources marines »

Florence HALLOUIN (Atlanpole)

17h20 Synthèse de la journée et perspectives par Denis ROUX

17h40 : Clôture de Gen2Bio 2009



ATELIERS TECHNOLOGIQUES

Sur inscription ♦ Voir programme en annexe ♦ En salles

► Les ateliers sont destinés à la fois aux entreprises et aux chercheurs. Ils ont lieu en parallèle des conférences. Durée d'un atelier : 35 minutes.

Technologies, applications, valorisation, transfert de technologie... autant de sujets que ces ateliers aborderont de façon concrète et interactive.

Attention ! Participation libre mais **pré-inscription obligatoire** sur www.gen2bio.org

ESPACES « BUSINESS »

Rencontrez vos prospects ou partenaires de demain !

► La recherche d'opportunités commerciales et technologiques est l'une des préoccupations des participants au colloque Gen2Bio. Pour vous permettre de rencontrer de façon efficace des prospects qualifiés ou de futurs partenaires, OUEST-genopole® met à votre disposition des espaces « Business » privatifs et vous facilite l'identification de vos contacts.



bioconnexion

3^{ÈME} WESTERN BIO-CONNEXION : lundi 30 mars

En partenariat avec info veille biotech ♦ Sur inscription

► Une soirée conviviale de réseautage biotech... les pieds dans l'eau ! OUEST-genopole® profite de ce grand rassemblement d'acteurs biotech pour organiser, le lundi soir 30 mars (attention : la veille de Gen2Bio), sa **3^{ème} Western BIO-Connexion**. Cette soirée *apéro-buffet-réseautage des acteurs de la biotech*, à l'initiative d'info veille biotech, est **soutenue par la CCI Nantes Saint-Nazaire**.

Lieu : Restaurant de plage « TAM-TAM »
Boulevard Darlu - 44500 La Baule Escoublac

Coût : 25 € (buffet)

Plus d'infos sur www.info-veille-biotech.com

Inscription sur www.gen2bio.org



Les ateliers durent 35 minutes et ont lieu en parallèle des conférences en amphi. Vous pouvez, au choix, participer à 1 ou plusieurs ateliers (7 au maximum).

Attention : Pour nous permettre d'organiser au mieux la journée, l'inscription aux ateliers est obligatoire.

	Salle 1	Salle 2	Salle 3	Salle 4
9h10	<p>1. « Analyse structurale et fonctionnelle des interactions moléculaires par des approches complémentaires Biacore, BIA/MS et plate-forme HTRF » - Exemples d'applications sur la plate-forme Interactome. Biacore : caractérisation de mécanisme d'inhibition d'interaction, criblage et "off rate" sélection de clones interagissant avec la sous-classe IgG1. Bia/MS et HTRF : de l'identification des cibles thérapeutiques au criblage haut débit de chimiothèques et leur caractérisation par les approches combinées de deux technologies spécialisées dans l'analyse des interactions moléculaires.</p> <p><i>Protéome - « Interactome »</i> Fabien GAUTIER, Mike MAILLASSON</p>	<p>8. « Plugin BioQuali pour Cytoscape : un nouvel outil mis en place sur la plate-forme » Cet outil permet à l'utilisateur d'analyser la « consistance globale » d'un réseau de régulation avec des données d'expression. Il permet ainsi de visualiser le diagnostic en montrant l'ensemble des régulations du réseau qui ne sont pas consistantes avec le jeu d'expression. Lorsque le réseau est consistant, le plugin affiche une liste de gènes dont l'expression a été prédite pour expliquer les données d'expression initialement observées.</p> <p><i>Bio-informatique (GenOuest)</i> Annabel BOURDÉ, Carito GUZIOLOWSKI</p>	<p>15. « Evolution des outils adaptés à l'analyse biologique multiparamétrique et au criblage haut débit par l'image » - La plate-forme offre la possibilité de quantifier, soi-même ou non, plusieurs paramètres biologiques simultanément par analyse d'images automatisée. Elle élargit sa palette de tests biologiques triparamétriques et robotise la station qui permet de les exploiter. Les sociétés Cellomics Thermo Fisher Scientific et Scienion montreront leurs nouvelles avancées technologiques et leur contribution, en tant que partenaires, à la qualité des prestations de la plate-forme.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Imagerie - Puces à cellules »</i> - Christiane GUILLOUZO, Rémy LE GUÉVEL</p>	<p>22. « La microdissection laser : de la graine de colza à l'homme en passant par le poisson » Cette intervention présentera les compétences de la plate-forme en termes de capture de cellules sur coupes de tissus et purification de ses acides nucléiques. Nous présenterons également des outils d'analyse haut débit, par tissu micro array (TMA), de marquages immuno-histologiques sur coupes de tissus.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Histopathologie »</i> Alain FAUTREL</p>
9h50	<p>2. « L'IRM et la relaxométrie RMN, deux approches complémentaires pour le suivi anatomique et la caractérisation des organes : application à l'huître au cours de sa croissance » - La plate-forme PRISM dispose de différents équipements dans le domaine de la RMN (spectroscopie, relaxométrie, imagerie). Cet atelier mettra en évidence, au travers d'une application chez l'huître, la complémentarité de différentes approches non-invasives proposées par la plate-forme.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Imagerie PRISM »</i> - Pierre-Antoine ELIAT, François MARIETTE</p>	<p>9. « Intégration des données et des traitements : l'approche originale d'Amadea Biopack » - Illustration sur un exemple concret : extraction d'information pertinente de données bio-médicales, de manière graphique, interactive et sans programmation, en utilisant en temps réel l'ensemble des données et outils disponibles (banques de données publiques, résultats expérimentaux, logiciels bio-informatiques et statistiques).</p> <p><i>Bio-informatique - Olivier COLLIN (GenOuest), Stéphane GRAZIANI (Isoft)</i></p>	<p>16. « "Valorisation des produits de la mer en cancérologie", un projet de Cancéropôle Grand Ouest : exemple d'utilisation du criblage haut débit par l'image, de molécules à visée thérapeutique. » - Présentation par les acteurs du projet : i)- de la démarche scientifique générale et des réalisations de la plate-forme dans le dispositif essentiel des tests pré-cliniques ; ii) du cheminement du chimiste qui synthétise des familles de molécules à la sélection de composés bioactifs « leaders ».</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Imagerie - Puces à cellules »</i> Christiane GUILLOUZO, Rémy LE GUÉVEL</p>	<p>23. « Développement et production de nanovecteurs synthétiques pour la délivrance d'acides nucléiques et de médicaments » Labellisée IBISA 2008, « SynNanoVect » propose la mise à disposition de vecteurs synthétiques, un service de formulation et d'encapsulation d'acides nucléiques et de biomolécules (rapporteurs, traceurs ou molécules thérapeutiques), ainsi que la mise en place d'évaluations biologiques <i>in vitro</i> et <i>in vivo</i> sur modèles standards et originaux (évaluation de l'efficacité des formulations, sécurité pré-clinique). L'atelier mettra l'accent sur les technologies récentes (formulations, équipements) et les nouveaux services offerts par la plate-forme.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Vecteurs de synthèse »</i> - Thierry BENVENU, Tristan MONTIER</p>
11h00	<p>3. « Structures, organisations, criblage de biopolymères » - La plate-forme BIBS réunit sur un même site des équipements scientifiques performants dédiés à l'analyse multi-échelle des biopolymères (protéines, polysaccharides, acides gras) d'origine variée dans les domaines agro-alimentaire, mer et santé. Des exemples de projets analytiques seront présentés intégrant les différentes techniques mises à disposition (spectrométrie de masse, RMN et microscopie).</p> <p><i>Protéome - BIBS - C. GAILLARD, H. ROGNIAUX, C. RONDEAU</i></p>	<p>10. « Protéines recombinantes : des projets dans tout le Grand Ouest ! » - Le plateau de production de protéines recombinantes accueille les projets de production de protéines recombinantes chez <i>E. coli</i> issues de tous les laboratoires du Grand Ouest. Le fonctionnement du plateau technique sera présenté à travers ses outils, prestations et conditions d'accès. Des projets seront présentés à des fins d'illustration.</p> <p><i>Protéome - « Protéines recombinantes »</i> Laurent MARCHÉ (plate-forme)</p>	<p>17. « Criblage fonctionnel à haut débit » L'obtention d'anticorps possédant une activité biologique est un enjeu stratégique pour le développement de nouvelles thérapies. La plate-forme développe plusieurs méthodes pour identifier précocement des anticorps possédant des activités inhibitrices. L'une d'elles est le suivi de la translocation de facteur de signalisation intracellulaire du cytoplasme vers le noyau.</p> <p><i>Protéome - « Anticorps monoclonaux »</i> Yannic DANGER</p>	<p>24. « Transgénèse animale utilisant des vecteurs lentiviraux » - L'atelier abordera les avantages et les limites de l'utilisation de vecteurs lentiviraux par rapport à l'utilisation de la microinjection d'ADN pour la génération d'animaux transgéniques. Les aspects pratiques de l'utilisation de vecteurs lentiviraux ainsi que leurs potentiels développements futurs seront aussi discutés.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Transgénèse Rat »</i> Ignacio ANEGON</p>

Programme des Ateliers technologiques

	Salle 1	Salle 2	Salle 3	Salle 4
14h10	<p>4. « Approches de quantification différentielle par marquage isotopique (ICAT, ITRAQ, SILAC, ICPL) » - L'un des enjeux actuels de la protéomique est de développer des approches quantitatives précises, fiables et reproductibles des niveaux d'expression de protéines. Les avancées technologiques autour de la spectrométrie de masse ont conduit au développement de méthodes associées au marquage isotopique des protéines ou des peptides. Les différents types de marquage existants, leurs avantages et limites, de même que leur contexte d'utilisation, seront présentés au cours de cet atelier.</p> <p><i>Protéome - « Protéomique à haut débit »</i> Emmanuelle COM, Charles PINEAU</p>	<p>11. « Méthylome et méta-analyse en cancérologie » - Cette intervention fera le point sur l'acquisition de nouvelles méthodes de mesure du niveau de méthylation de l'ADN à l'aide de puce CpG 244K. Cette nouvelle approche sera abordée dans le cadre de l'analyse des glioblastomes, tumeurs gliales du cerveau extrêmement agressive.</p> <p><i>Transcriptome Rennes</i> Jean MOSSER, Amandine ETCHEVERRY</p>	<p>18. « Développement d'un nouvel outil pour l'étude des interactions protéines/ADN » Le fonctionnement de la plate-forme puces à protéines sera présenté dans le cadre du développement d'une nouvelle approche pour l'étude des interactions protéines/ADN.</p> <p><i>Protéome - « Puces à protéines »</i> Adrien HERLÉDAN, Pierre WEIGEL</p>	<p>25. « L'apport des biotechnologies à l'amélioration variétale des fruits à pépins : un exemple de projet collaboratif soutenu par le pôle de compétitivité Végépolys » - Végépolys et ses outils d'interface avec la recherche accompagnent les entreprises du Végétal Spécialisé dans leurs projets collaboratifs innovants. Le projet présenté rassemble obtenteurs, éditeurs et chercheurs de l'Inra d'Angers autour du développement de nouvelles technologies et méthodologies, sélection assistée par marqueurs (SAM) et transgénèse, en vue de la création de nouvelles variétés de fruits à pépins performantes.</p> <p><i>Végépolys - Intervenant à définir (Végépolys), François LAURENS (Inra UMR GenHort, Angers)</i></p>
14h50	<p>5. « Production de vecteurs viraux pour le transfert de gène et applications <i>in vivo</i> » - L'atelier présentera les différentes technologies de production et caractérisation de vecteurs viraux dérivés des Adeno-Associated virus, des adénovirus et des lentivirus. Des exemples d'injection chez des gros animaux, notamment dans des modèles de maladies génétiques, illustrent les applications potentielles de ces vecteurs.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Vecteurs viraux pré-cliniques »</i> Christophe DARMON, Véronique BLOUIN</p>	<p>12. « Méthodes d'analyse de données génomiques » - Lors de cette intervention, les deux plates-formes et les différentes méthodes d'analyse seront rapidement présentées, et les besoins (de formation, d'outils...) des utilisateurs seront répertoriés. Cette intervention servira à préparer une journée de formation à l'analyse des données de génomique qui sera organisée par les deux plates-formes vers avril 2009.</p> <p><i>Transcriptome Nantes et Rennes</i> Marc AUBRY, Audrey BIHOUEE</p>	<p>19. « Comment sélectionner à haut débit les molécules dirigées contre les protéines de votre intérêt ? » - La technologie des puces à petites molécules et à peptides et avantages par rapport aux méthodes conventionnelles pour cribler différentes chimiothèques. Cet outil incontournable peut être appliqué dans différents domaines biomédicaux et agro-alimentaires. Exemples de sélection d'inhibiteurs du site catalytique des protéines-cibles et de l'interface protéine-protéine.</p> <p><i>Protéome - « Puces à protéines » - Marie ANGELINI, Audrey BROSSARD (ProtNeteomix)</i></p>	<p>26. « Méganucléase et autres transposases, Zing Finger Nucléase... de nouveaux outils pour la transgénèse » - Présentation de ces nouveaux outils, intérêts et perspectives.</p> <p><i>Exploration fonctionnelle - « Centre de Ressources Xénope »</i> D. BOUJARD, B. GUILLET et T. MADIGOU (CRB), Jean-Stéphane JOLY et Frédéric SOHM du GIS AMAGEN (CNRS, Inra, plate-forme IBISA spécialisée dans la transgénèse chez le zebrafish et le medaka)</p>
16h00	<p>6. « Système de séquençage nouvelle génération SOLiD™3 System - bien plus que du séquençage... » - Epigénomique, transcriptomique. Cet atelier sera l'occasion de vous présenter le nouveau SOLiD™ 3 System qui permet de livrer des résultats de haute qualité avec un maximum de flexibilité et dans un minimum de temps.</p> <p><i>Séquençage/génotypage</i> Patrick SAGEAT (Applied), Erwan CORRE</p>	<p>13. « Intégration de données génomiques - Biologie Intégrative » Cette présentation, organisée dans le cadre de l'action innovante « Biologie Intégrative » de OUEST-genopole®, montrera le bénéfice de l'intégration de différentes données de génomique.</p> <p><i>Transcriptome Nantes</i> Rémi HOULGATTE</p>	<p>20. « Titre à préciser » - Atelier proposé par : <i>Région Poitou-Charentes</i></p>	<p>27. « La vaccination antitumorale : une chaîne de valeur Atlantic Biotherapies » - <i>Pôle de compétitivité Atlantic Biotherapies</i> Olivier KITTEN</p>
16h40	<p>7. « Le système de séquençage à haut débit Roche GS FLX » - Le GS FLX présente une approche unique de séquençage massif en parallèle avec des longueurs de lecture supérieures à 400 bases, tout en procurant des données de très haute qualité. La combinaison du nombre de lectures et de la longueur de chacune d'entre elles ouvre de nouvelles perspectives dans différents domaines d'application.</p> <p><i>Séquençage/génotypage</i> Eric BAUD (Roche Diagnostics), Philippe VANDENKOORNHUYSE</p>	<p>14. « Titre à préciser » - Atelier proposé par : <i>Pôle de compétitivité Valorial</i></p>	<p>21. « Les ultrasons à Tours : exemple en médecine » - Les ultrasons servent à visualiser en temps réel les structures, détecter la vitesse du sang (effet Doppler), caractériser l'élasticité des tissus, et guider des ponctions à visée diagnostique ou thérapeutique. L'évolution se fait essentiellement vers l'imagerie 3D, l'utilisation de microbulles pour étudier la perfusion tissulaire et délivrer des médicaments, et la destruction de tumeurs par ultrasons focalisés de haute énergie.</p> <p><i>IFR 135, Tours - Pr Léandre POURCELOT</i></p>	<p>28. « Molécule marine : du criblage au développement » - Les témoignages de deux entreprises bretonnes illustreront les collaborations fructueuses existant entre l'industrie, la recherche académique et les plates-formes de OUEST-genopole® au sein du Pôle Mer Bretagne.</p> <p><i>Pôle de compétitivité Pôle Mer Bretagne</i> Pierrick AUVRAY (C.Ris Pharma), Marc HEMON (Yslab)</p>